**Instrukcijas**

Lai arī gandrīz visām grupām masas spektrā figurē vajadzīgie peptīdi, pārsvarā gaījumu ir arī ļoti daudz piemaisījumu, tādēļ identifikācija ir diezgan apgrūtinoša. Vislabākie rezultāti ir sasniedzami, izmantojot “24.10.2014\_4.paraugs.xls”, tādēļ iesaku to izmantot visiem.

Jārīkojas sekojoši:

* Jāievada vārds, uzvārds un reāla e-pasta adrese - citādi programma neiet...
* “Query” lauciņā saraksta eksperimentālās masas, vienu zem otras (pirmā kolonna grozā esošajā excel tabulā), **bet neraksta masas, mazākas par 750 Da.**
* Izvēlas lodziņu “Allow up to 0 missed cleavages”
* Datubāzi izvēlas NCBInr
* Pārējos lodziņus var atstāt nemainītus